

研究報告 2021-BIO-67

※Windows の方は[Ctrl]キーを, Mac の方は[option]キーを押しながらリンク先をクリックしてください.

9 月 30 日(木)

■[10:00-11:45]

(1) [タンパク質表面との結合親和性を考慮した長距離フラグメントリンキング手法の開発](#)
津嶋 佑旗, 柳澤 溪甫, 大上 雅史, 秋山 泰

(2) [Dynamic solution space division-based methods for calculating reaction deletion strategies for constraint-based metabolic networks for substance production: DynCubeProd](#)
Yier Ma, Takeyuki Tamura

(3) [Efficient Differentially Private Methods for a Transmission Disequilibrium Test](#)
Akito Yamamoto, Tetsuo Shibuya

(4) [A Privacy-preserving Reference Panel for Genotype Imputation](#)
Mohammad Nabil Ahmed, Kana Shimizu

(5) [COVID-19 感染者間の関係の Pajek による可視化](#)
太田 潤

■[13:30-14:35]

(6) [ヒトのエンハンサーと遺伝子相互作用や転写制御に影響する, 方向性のある転写因子 DNA 結合配列の解析法の開発](#)
大里 直樹, 浜田 道昭

(7) [テンソル分解を用いた遺伝子発現からの神経疾患の創薬](#)
田口 善弘, ターキー ターキー

(8) [大規模遺伝子発現量データを構成する独立なサンプル数の極限值の見積もり](#)
大林 武

■[14:45-15:35]

(9) [集団遺伝学を用いた変異ウイルスの流行予測](#)
伊藤 公人