

研究報告 2019-BIO-60

※Windowsの方は[Ctrl]キーを, Macの方は[option]キーを押しながらリンク先をクリックしてください.

12月2日(月)

■バイオインフォマティクス

(1) [対象者の属性情報を考慮した, 細菌組成データに対するノンパラメトリックベイズトピックモデル](#)

奥井 佑

(2) [テンソル分解を用いた教師なし学習による変数選択法の TCGA データベースにおける卵巣がんデータの microRNA 発現プロファイルとメチル化プロファイルへの適用](#)

田口 善弘, 呉 家樂

(3) [注意機構付き LSTM を用いた抗原タンパク質のエピトープ領域予測](#)
農見 俊明, 藤田 春佳, 貞光 九月, 坂口 誠, 天満 昭子, 中神 啓徳

(4) [分子進化とアミノ酸のエネルギー準位統計](#)
山中 雅則

■システム生物学

(5) [大腸菌の中心代謝経路の動力学モデルの開発と複数炭素源を用いた効率的な NADPH 生成と有用物質生産への応用](#)

松岡 結, 倉田 博之

(6) [Elementary flux mode 型代謝経路の完全原子レベルマッピングの高速化](#)
太田 潤

■統計学

(7) [語彙の通言語的類似度から地理的起源を推定する問題における多層パーセプトロンの利用](#)

大林 武, 山田 和範, 長野 明子