

研究報告 2020-BIO-63

※Windowsの方は[Ctrl]キーを, Macの方は[option]キーを押しながらリンク先をクリックしてください.

9月4日(金)

(1) [Elementary flux mode 型代謝経路の化学量論的に釣り合った代謝産物レベルネットワーク構造算出の高速化](#)

太田 潤

(2) [ヒト全身代謝のコンピュータモデル開発](#)

倉田 博之

(3) [生物モデルにおける同じ動態を再現可能なパラメタセットのグローバルなパラメタ変動解析](#)

井上 健太郎