

研究報告 2020-BIO-62

※Windowsの方は[Ctrl]キーを, Macの方は[option]キーを押しながらリンク先をクリックしてください.

6月29日(月)

■午前 [10:00-11:40]

(1) [\[BIO\]テンソル分解に基づく教師なし学習による変数選択の RNAi 処理を行ったプラナリアの RNA-seq 解析への適用](#)

田口 善弘, 鹿島 誠

(2) [\[BIO\]Conjecturing human genes that are easy to be double strand breaks by tensor decomposition](#)

Nobuo Hosaka, Yoshihiro Taguchi

(3) [\[BIO\]Elementary flux mode 型代謝経路の化学量論的に釣り合った代謝産物レベルネットワーク構造の算出](#)

太田 潤

(4) [\[NC\]モバイル・ニューロン ①ーパブプロフはなぜ犬の脳皮質をくり返し切除したのかー](#)

得丸 久文

■午後 [13:00-14:40]

(5) [\[IBISML\]言語的人類のデジタル第三進化にどう対応するか～概念のための群論と前方誤り訂正～](#)

得丸 久文

(6) [\[NC\]集中型と分散型知的粒子多スウォーム最適化について](#)

章 宏

(7) [\[NC\]自己符号化器とスパース PCA の性能比較](#)

石川 眞澄

(8) [\[MPS\]畳み込みニューラルネットワークによる画像認識](#)

矢田 真城, 魚住 龍史

■午後 [15:00-16:15]

(9) [\[NC\]深度勾配による Multi-task learning と Self multiple-input を用いた教師あり単眼深度推定](#)

高嶺 潮, 遠藤 聡志

(10) [\[NC\]サブゴールの自律的な探索によるモデルベース深層強化学習手法の提案](#)

丸山 元輝, 遠藤 聡志, 山田 孝治

- (11) [\[IBISML\]強化学習を用いた ICT システム設計の自動化における学習収束性の改善](#)
八鍬 豊, 丸山 貴志, 桑原 拓也, 黒田 貴之