

研究報告 2019-BIO-59

※Windowsの方は[Ctrl]キーを, Macの方は[option]キーを押しながらリンク先をクリックしてください.

9月8日(日)

■一般セッション(1)[14:00-14:50]

(1) [KampoDBの結合シミュレーション結果の概説](#)

奥 牧人

(2) [代謝ネットワークにおける elementary flux mode 型経路の完全原子レベルマッピング](#)

太田 潤

■一般セッション(2)[15:10-16:05]

(3) [テンソル分解に基づく教師なし学習による変数選択は MicroRNA トランスフェクションにより仲介される mRNA の配列非特異的オフターゲット調節の普遍的性質を同定することができる](#)

田口 善弘

(4) [Hill 型の融解曲線を持つ DNA 塩基配列の設計](#)

池田 亮太, 小林 聡, 小宮 健

(5) [動力学パラメータ推定問題: 大腸菌アンモニア輸送-同化ネットワークの事例](#)

前田 和勲